

<b>A</b>	1	<b>MADS-box</b>	57	58	<b>I-region</b>	91				
boap1	-----	a-f-----	v-----	-----	p-----	i--e-dv-.t				
boi2ap1	-----	a-m-----	v-----	-----	-----	i--e-d-.t				
boilap1	-----	a-f-----	v-----	-----	-----	i--e-dv-.t				
samadsc	-----	a-----	v-----	-----	-----	i--e-dv-.t				
ap1	-----	a-----	v-----	-----	-----	i--e-dv-.t				
bocal	em-----	a-----	i-----	s-----	se-----	v--h-----	k-kv--	hv-a-t		
cal	-----	e-----	t-----	q-----	s-----	se-----	v-----	i-----	hv-a-t	
bpmds3	-----	g-----	v-----	-----	a-----	s-----	-----	a-v-a--	g.-	
nap12	---k-r---	g-v-----	-----	i---	s-----	q-----	t-r-l-s-	sv-e		
mdmads5	-----	t-----	q-----	n-----	a-----	q-----	-----	ve-f--	qg..	
squa	---k-m---	g-----	l-----	n-----	-----	dr--k---	f-----	v.sn.-	pqspa	
slm4	-----	m-----	ii-----	i--r--	df	as-----	c--k--.	sn.dpda-v		
ag18	-----	-----	-----	-----	-----	r-----	d--l--	sdk--	vgr-v.-	qse.
samadsb	-----	-----	-----	-----	-----	-----	d--l--	sdk--	vgr-i.-	qse.
potm1	-----	-----	g-----	t-----	-----	an-----	rl-----	f-----	vpt.h.	tsp
nap11	-----	-----	g-----	t-----	-----	-----	r-----	-----	t-t.h.	etp
bpmds5	-----	-----	g-----	t-----	-----	-----	r-----	-----	d--l-n-l.	q.n
mdmads2	-----	-----	m-----	i-t---	-----	-----	n-----	r-----	t-----	l-n-n-t..
eap1	---l---	-----	a-----	-----	a-----	-----	r-----	-----	h-vl--	set--i..
slm5	-----	-----	t-----	d-g---	t-----	a-----	-----	-----	t-----	.pdshv
eap2	-----	-----	c-----	d-----	t-----	a--c--r--	-----	s-vltnn.	a.etn	
tm4	-----	-----	-----	g-----	t-----	an-----	r-----	f--k--	vpt.h.	tspv
bpmds4	-----	s-----	-----	t-----	-----	f	-----	s-s-dr--	-----	d-h-m-te--..
zap1	---k---	-----	n-----	v---	p---	y--	a---r-d--	-----	ka-isae--	e..
tamads11	---k---	-----	n-----	g-i-t---	y-f	---	e--d--	-----	kv-vsse--	i..
sbmads2	~~~k---	-----	n-----	v---	p---	y--	a---r-d--	-----	ka-isae--	e..
Consensus	MGRGRVQLKRIENKINRQVTF	SKRRSGLLKKKAHEISVLCD	AEVALIVF	SHKGLFEY		STDS	SCMEKILERYERYSYAER	QL-APD	SESN-QG	

<b>B</b>	92	<b>K-box</b>	160	228	<b>C-terminal end</b>	827					
boap1	--sm-nr---	e-----	l---gam-p	-----	y--n--r--	--s-f..-m--l..--eedqmamr--d	ldlslepvync..nlgsfaa	.....			
boi2ap1	--sm-nr---	e-----	l---gam-p	-----	yd--n--r--	--s-f..-m--l..--eedqmamr--d	ldlslepvync..nlgsfaa	.....			
boilap1	--sm-nr---	e-----	l---gam-p	-----	yd-vn--r--	--s-f..-m--l..--eedqmamr--d	ldlslepvync..nlgsfaa	.....			
samadsc	--sm-nr---	e-----	l---gam-s	-----	d--n--r--	--s-f..-m--l..--eedpmemr--d	ldlslepvync..nlgsfaa	.....			
ap1	--sm-nr---	e-----	l---gam-p	-----	t---y--n--	--s-f..-m--l..--eedpmam--d	ldtlepvync..nlgsfaa	.....			
bocal	--sm-sr---	e-----	l---e-i-i	-----	lnh--r--	.ss-f..-m--m..-geypta-r--r	ldtlepiync..nlgyfaa	.....			
cal	--sm-sr---	e-----	l---e-epm--d	-----	e-----	n--lnh--r--	ts-f..-m--l..-gedgtamr--n	ldtlepiyny..lgcyaa	.....		
bpmds3	s--m-f-r--	g-v---	h---l-d-e--h	-----	v-t---	y---q---	-----	c..-i--.n--ee.ape-r--e	ldtlepiysc..hlgsfat	.....	
nap12	--s-----	d---hk--m--	n--d---	s--l---	m-----	-----	h-c..-i--.n--ee.aeear--e	ldnldsllypc..hmgsfat	.....		
mdmads5	--f--sr---	a-v---	h---l-----	t---i---	q--l---	n-----	r-r	-----	c..-n--t..q--de.flq-r--q	ldtleplyec..hlgsfaa	.....
squa	---s---r---	h---m---	m---i-s	-----	n--t---	lyd-----	h--	-----	.f-c..i-v-nt..-egeganedr--e	ldtldsllysc..hlgsfaa	.....
slm4	---fd-----	ld---	h-q-l-q--a-n	-----	s-----	vg-----	k-----	d-----	p-v...-mnsn..-ekeqggs--d	ldntles..ncwahhsf..	.....
ag18	--v--h---	rv-v-ek-k-nfm	-----	s--h--	a-i-s-----	a-f--a----	d	-----	-y..c.vssrd....f.....-e	vggengassltp.....nslpawmlrpttne	
samadsb	--v--h---	rv-v-ek-k-nfm	-----	s--h--	a-i-s-----	a-f--a----	d	-----	-y..cltssrd....f.....-g	vegenegasslaep.....nslpawmlrp.ttne	
potm1	s---h---	rl-v---k-v---	e--nm-----	h--s-----	v---qd	-----	-----	-----	..dsp..hl-.ea--ntn...-vd	gevegnssqqgaantvmpqwmrlhl..ng	
nap11	s---h---	grl-v---g-a---	cm-----	h--s-----	v---d	-----	-----	-----	---.ss.-hl-.ea-p.ta...gd	gele.g.ssrqqq..qntvmpwmlrhl..ng	
bpmds5	s---h---	r-v---k-fv---	s-----	y-----	r-d	-----	-----	-----	--qss..-i--s..q..a...rg	grvdeg...tpphranallppwmlrhl..ng	
mdmads2	s---h---	rv-v---m---q---	s-----	v-y-----	d	-----	-----	-----	ra-q.s.-f-sgsn--airs	segipgdngqygde.tptphrpnmlpawivrlh..ne	
eap1	s---h---	rl-v-h-y--fm---	-----	d-----	es-----	vi--d	-----	-----	...ps.-din-s..--.a...rh	ghddgen..ltqp.ragtllppwisasqlrl.	
slm5	s---h---	rl-i-k-h--m---t---	f-h-----	k---y--h--	d	-----	-----	-----	-v.pa.-ir-n...-etg.ss.-iv	evaqtqnrnsn..nslvpswmlnhla.eq	
eap2	---h---	rm-i-k--knlm--e	-----	h-----	n---i--c---	r-d	-----	-----	-s-qp.-i--p..-hps...gieeg...	aalppqhrnatlfpswmlshl..qe	
tm4	s---hr---	rl-v---k-v---	e--m-----	h--s-----	v---d	-----	-----	-----	.....-t...-s.tn...-id	gkwkevvlhsskvqlil.....	
bpmds4	s-s--fp--s-r--v-e--i-nll	-----	p--r--m---	g--rl-t---	v---m-----	-----	-----	-----	pt--lps-ti--t..f-a....g	agedagaq..trp..sahrmpwmlshi..ng	
zap1	--ch--r---	ti-kchk-lm---	e--np---	q-----	ss-----	sh--a-----	-----	-----	f-pltmgd.r.-eela	aaaaaqqqqplpggaqqqlriag.....lppwmlshl..na	
tamads11	--ch--r---	v-ti-kc-k-lm---	e--n---	q-----	ess-----	sh--a-----	-----	-----	ih....paaa-e.ragdaavq...	p.qapp..r.tg.....lplwmvshi..ng	
sbmads2	--ch--r---	ti-kchk-lm---	e--np---	q-----	ess-----	sh--a-----	-----	-----	kh...mpaadrrer.....	.....lplwmvshi..ng	
Consensus	NWTLEYAKLKA	KAKIELLQRNQRHY-GEDL	DSL	SLKELQNL	EQQLD	TALKH	RSRKNQLMHESISELQKKE		QPLP--LN-GG--YQ-----	VRN-----	
AP1 group	NWSMEY-RLKAKI	ELLERNQRHYLGEDL--MS	KELQNL	EQQLD	TALKH	RSRKNQLM	ESINELQRKE		QPSP--FLNMGG--YQEE----	RRN-LDLTLEP-YNC-LGC--FAA-----	
AGL8 group	SWTLEHAKL	KARLEVLQRNQRHYMGEDL	DSL	SLKELQNL	EQQLD	SALKH	RSRKNQLMHESISELQKKE		Q-L--SSLNIGG--YQ-A--V--NG	EDGGASS-----P-R-NTLLPPWMLRHL--NE	
Monocots	NWCHERYRKLKAKI	ETTKQCHKHLMGEDLESL	NPKELO	QEQQLS	SLKH	RSRKS	HMAESISELQKKE		-H-----PAA--EE-A--AA-Q----	P-Q--P--R--G--LP-WM-SH--N-	